

DBKERO(疾患マルチオミクスデータベース)の利用者アンケート調査

大項目	目的	質問No	対象回答者	必須	質問
I	認知度確認	Q1	ALL	○	「DBKERO」(疾患マルチオミクスデータベース)をご存知でしたか。 【必ず回答】 A 知っていた B 初めて知った
		Q2	1.A	○	DBKEROをどこで知りましたか?(いくつでも選択可) 【必ず回答】(複数選択) DBKEROについての論文(NAR(2018), http://doi.org/10.1093/nar/gkx1001) 検索エンジン(Google、Yahoo、Bing等) DBKEROを利用した研究論文・学会発表等 DBKEROについての学会ポスター発表・ブース出展等 雑誌(実験医学等)の記事 授業・講習会での紹介・説明 知人からの紹介 NBDC関連サービス(Integbioデータベースカタログ、統合TVなど) NBDC関連サービス以外のデータベース紹介サービス・ブログ等 その他(具体的にお書きください)[text] 不明・忘れた
II	利用度確認	Q3	1.A	○	DBKEROを利用していますか。 【必ず回答】 A 利用している B 利用したことはない C 以前利用していたが、現在は利用していない D 現在利用していないが、将来的に利用する可能性がある
		Q4	1.B	○	今回初めて知ったと回答した方に伺います。 今後DBKEROを利用することはありますか。 【必ず回答】 A ある B ない C 分からない
		Q5	4C	○	DBKEROのどのような情報があれば利用に向けて検討しやすくなりますか?(いくつでも選択可) 【必ず回答】(複数選択) A 基本的な操作方法 B 収録データに関する情報(収録範囲・方法・更新頻度等) C 目的・位置づけの提示 D 類似・関連するサービスとの比較 E 活用例の紹介 F その他 [text] G 特になし
		Q6	4C	○	上記についてどのような媒体・手段での情報提供があるとよいですか?(いくつでも選択可) 【必ず回答】(複数選択) A 論文誌 B 専門誌(「実験医学」等) C 当該データベース内 D 学会への出展ブース・セミナー E その他 [text] F 特になし
		Q7	3B/4B	○	利用しない理由は何ですか。 【必ず回答】 研究分野、対象が違うため利用しない 研究分野、対象は合致するが、既に他の同様のデータベースを使っているため利用しない(データベース名をお書きください)[text] 研究分野、対象は合致するが、自分で収集・保有しているデータで十分ため利用しない その他 [text] 理由はない・分からない
		Q8	3.C	○	利用しなくなった理由は何ですか。 【必ず回答】 研究分野、対象が変わったため利用しない 他の同様のデータベースを使っているため利用しない(データベース名をお書きください)[text] 自分で収集・保有しているデータで十分ため利用しない その他 [text] 理由はない・分からない
		Q9	3A	○	DBKERO をどれくらい前から利用していますか?最も近いものを選んでください。 【必ず回答】 2-3ヶ月程度前から 半年前から 1年程度前から 1年以上前から
		Q10	3A	○	DBKEROを普段どのくらいご利用いただいていますか?最も近いものを選んでください。 【必ず回答】 ほぼ毎日利用する 月に数回は利用する 年に数回は利用する 数年に一回は利用する
		Q11	3A/4A/3D	○	あなたがDBKEROを利用する主な目的を教えてください。(いくつでも選択可) 【必ず回答】(複数選択) 研究・調査の対象を検討する 実験・解析手法を設計する 自身が別途取得したデータと比較し、研究・調査結果を考察する 収録データを手し、研究目的で再解析する データ構造や機能を調査し、二次的サービスを構築する 自身が別途取得したデータを登録する その他[text]
		Q12	3A		上記について、可能であれば具体的な利用例をお教えてください。(もし論文発表やブログ等での紹介等をされていればそのURLも記載ください。) 記入式[text]
		Q13	3A	○	DBKEROを利用する上で便利に感じている点を教えてください。(いくつでも選択可) 【必ず回答】(複数選択) [全般] 欲しい情報が見つかる 情報が網羅されている 情報が正確・信頼できる 同種のデータベースが他にない 関連するDB・データを合わせて参照できる データの収録範囲・方針が明確である 無料で利用できる [機能面] 検索結果の表示が早い 検索インターフェースが使いやすい、分かりやすい 収録データを解析するための機能・ツール等がある 更新情報(頻度、日時、範囲)が明確である 使い方の説明が分かりやすい・豊富である

			利用許諾条件が明確である その他（具体的にお書きください）[text] 特にない
Q14	3A	○	DBKEROを利用する上で不満に感じている点を教えてください。（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択） [全般] 欲しい情報が見つからない 情報が網羅されていない 情報が不正確・信頼できない 他のサービスの方が便利 関連するDB・データを合わせて参照できない データの収録範囲・方針が明確でない その他（具体的にお書きください）[text] 特にない [機能面] 検索結果の表示が遅い 検索インターフェースが使いにくい、分かりにくい 収録データを解析するための機能・ツール等が少ない(ない) 更新情報(頻度、日時、範囲)が分かりにくい
Q15	3A	○	DBKEROに実装されたら利用したいと思う機能を以下から選んでください。（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択） A 収録するデータの種類の追加 B DB間のリンク C 検索履歴の保存 D 検索条件の追加 E 新着収録データのメールお知らせ機能の実装 F 収録データの一括ダウンロードページの公開 G 収録データのダウンロード履歴の保存 H APIの公開 I データ・メタデータ構造についての詳細な説明の掲載 J 使い方の詳しい説明の掲載 K その他（具体的にお書きください）[text] L 特にない
Q16	15A	○	先の設問で収録するデータの種類の追加を選択した方におかがいします。 収録するデータの種類の追加について具体的に記載してください。 記入式[text]
Q17	15B	○	先の設問でDB間のリンクと回答した方におかがいします。 DB間のリンクについて具体的に記載してください。 記入式[text]
Q18	3A/3C	○	DBKERO に対する総合的な満足度を教えてください。 【必ず回答】 満足 やや満足 普通 やや不満 不満
Q19	ALL		DBKEROについて、ご意見、ご要望、ご提案などございましたらご自由にお書きください。 記入式[text]
Q20	ALL	○	どの分野のデータを利用・検索しますか？（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択） ゲノム(変異・多型情報・配列情報) エピゲノム トランスクリプトーム プロテオーム メタゲノム その他 [text]
Q21	ALL	○	どのような手法のデータ解析に興味がありますか？（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択） WGS (Whole genome sequence) WES (Whole exome sequence) RNA-seq ChIP-seq (DNA binding protein, Histone modification) Bisulfite sequence (DNA methylation) scRNA Long read sequence (PacBio, Oxford Nanopore) Linked reads (10x GemCode 等) Single cell Chromatin 構造 (DNase-seq, FAIRE-seq, ATAC-seq等) Chromatin interaction (C3, Hi-C, ChIA-PET等) その他 [text]
Q22	ALL	○	どの生物種に興味がありますか？（複数選択） 【必ず回答】 ヒト マウス その他 [text]
Q23	ALL	○	既に利用したり、今後利用する予定のあるデータベースを選択してください。（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択） NCBI Ensembl UCSC CGC TCGA COSMIC その他、よく利用する(ゲノム関連)データベースがありましたらご記入ください [text] 特にない
Q24	ALL	○	そのデータベースに足りないと思う機能はありますか？（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択） [全般] 欲しい情報が見つからない 情報が網羅されていない 情報が不正確・信頼できない 他のサービスの方が便利 関連するDB・データを合わせて参照できない データの収録範囲・方針が明確でない その他（具体的にお書きください）[text] 特にない [機能面] 検索結果の表示が遅い 検索インターフェースが使いにくい、分かりにくい 収録データを解析するための機能・ツール等が少ない(ない) 更新情報(頻度、日時、範囲)が分かりにくい
			そのデータベースをどのような用途に使用しますか？（いくつでも選択可） 【必ず回答】（複数選択）

		Q25	ALL	○	データ検索（文献や遺伝子アノテーション情報等の検索） ツールの利用（ホモロジー検索やゲノムブラウザ閲覧等） データやプログラムのダウンロード その他 [text]
		Q26	ALL		データ処理、解析上、困っていることや、あれば便利だと思う情報や機能がありましたらご記入ください 記入式 [text]
Ⅲ	回答者属性	Q27	ALL	○	あなたの職業を教えてください。 【必ず回答】 学生（学部生） 学生（院生） 研究者（公的研究機関・大学・高専等を含む） 研究者（民間企業） その他（具体的にお書きください） [text] 回答しない
		Q28	ALL	○	現業における役割を選んでください。 【必ず回答】 実験従事者 データ解析 データベース・アプリケーション開発者 研究企画・立案・調査 その他（具体的にお書きください） [text] 回答しない
		Q29	ALL	○	専門（専攻）分野を選んでください 【必ず回答】 情報学/計算科学 工学 数物系科学 化学 生物学・総合生物 農学 医歯薬学 その他（具体的にお書きください） [text] 回答しない
		Q30	ALL	○	加入している学会を教えてください。（いくつでも選択可） 【必ず回答】 日本分子生物学会 日本生化学会 日本DNA多型学会 情報処理学会 日本人類遺伝学会 日本癌学会 その他（具体的にお書きください） [text] 回答しない
		Q31	ALL	○	年齢を選んでください。 【必ず回答】 18歳未満 18～24歳 25～29歳 30歳代 40歳代 50歳代 60歳以上 回答しない
		Q32	ALL		